## МОЛЕКУЛЯРНО-ГЕНЕТИЧЕСКАЯ ИДЕНТИФИКАЦИЯ возбудителей острых кишечных инфекций, ЦИРКУЛИРУЮЩИХ НА ТЕРРИТОРИИ ФЕРГАНСКОЙ ОБЛАСТИ.

Ашуров Т.З.

Ташкетский государственный медицинский университет

Проблема острых кишечных инфекций для Республики Узбекистан, в силу сложившихся неблагоприятных тенденций за последние десять лет стала особо актуальной. Низкая медицинская грамотность населения, нерешенность вопроса обеспечения населения безопасной в эпидемическом отношении питьевой водой, определяют высокую заболеваемость острыми кишечными инфекциями, по которым Ферганская область занимает особое место в республике и является одним из самых неблагополучных регионов по заболеваемости ОКИ. Несмотря на сложную эпидемиологическую ситуацию в области остается низким удельный вес бактериологического подтверждения, до 72,4% заболеваний ОКИ остаются нерасшифрованными.

Цель: определение уровня заболеваемости и этиологической структуры острых кишечных инфекций, циркулирующих на территории Ферганской области.

Материалы и методы. Идентификация видов возбудителей ОКИ была проведена в лаборатории РСНПМЦЭМИПЗ МЗ РУз. Методом полимеразной цепной реакции (ПЦР) в реальном времени исследован 128 экземпляров крови больных острыми кишечными инфекциями проходивших лечение в Ферганской областной клинической инфекционной больнице за 2023-2024гг.

Основные результаты. По данным верификации генетического материала возбудителей острых кишечных инфекций обнаружено у 99,6% пациентов. Установлено, что основным вектором ОКИ в Ферганской области являются кишечные инфекции вирусной этиологии - ротавирусы, норовирусы, астровирусы и аденовирусы с показателем заболеваемости 92 ±12,14% и в том числе и как миксты  $-9 \pm 0.91\%$ . Кроме того, сохраняется широкая циркуляция на территории области бактериальных кишечных инфекций – шигеллезов и заболеваемости  $3,09\pm0,02\%$ . салмонеллезов уровнем Эшерихиозы c идентифицированы в 1,6% случаях.

Заключение. Таким образом, территория Ферганской области является эпидемиологически неблагополучной как по вирусным так и по бактериальным инфекциям, чем свидетельствуют 0 высокие заболеваемости, а этиологически доминирующими являются ротавирусы, норовирусы, а также шигеллы и сальмонеллы.